



FACULTAD DE MEDICINA

**EVALUACIÓN DE LA PREVALENCIA DE MUTACIONES ASOCIADAS A
RESISTENCIA SECUNDARIA A TERAPIA ANTIRRETROVIRAL EN INFECCION
POR VIRUS DE INMUNODEFICIENCIA HUMANA, EN PACIENTES DEL
HOSPITAL CARLOS VAN BUREN.**

**Tesis para optar al grado académico de
Magister en Análisis Clínico**

QF CINTHYA ACEVEDO ROJAS

**Director: Dr. Rodrigo Cruz Choappa
Co-Director: Dr. Gonzalo Wilson Lazo**

2013

INDICE

I Parte: INTRODUCCIÓN

1. Clasificación clínica de la Infección por VIH en adultos	2
2. Terapia Antirretroviral	2
3. Principios de Resistencia a la Terapia Antirretroviral	3
4. Nomenclatura de las mutaciones	5
5. Métodos de laboratorio para determinación de Resistencia a TARV	5

II Parte: PRESENTACIÓN DEL ESTUDIO

Hipótesis	7
Objetivos	8

III Parte: MATERIALES Y MÉTODOS

IV Parte: RESULTADOS

V Parte: DISCUSIÓN

CONCLUSIONES

REFERENCIAS BIBLIOGRÁFICAS

ANEXOS

La resistencia a terapia antirretroviral en infección por VIH, es uno de los principales problemas para una terapia eficaz. No existían estudios de resistencia secundaria a tratamiento con antirretrovirales en el Hospital Carlos Van Buren, ni asociaciones con características de pacientes. Tampoco comparación entre las bases de datos utilizadas para evaluar resistencia, con otras disponibles. En este estudio se plantea como hipótesis que la prevalencia de mutaciones será distinta a la resistencia primaria en nuestro país, y similar a la secundaria a nivel nacional, y que la resistencia evaluada por el método Trugene™ HIV (Bayer SA) y la base de datos de la Universidad de Stanford, serán la misma. Para esto, nuestros objetivos fueron determinar la prevalencia de mutaciones en pacientes del Programa VIH del Hospital Carlos Van Buren, con resistencia secundaria a terapia antirretroviral, y distintas asociaciones según características individuales de los pacientes, así como determinar equivalencia entre Trugene™ y la base de datos de la Universidad de Stanford. Se realizó un estudio descriptivo retrospectivo de prevalencia de mutaciones en resistencia secundaria de pacientes VIH, utilizándose el software estadístico SPSS v.17 para administración de datos y evaluación de correlación entre ellos. Obteniéndose como resultados que las mutaciones secundarias encontradas fueron distintas a la resistencia primaria y similar a la secundaria a nivel nacional, definiendo así patrones de mutaciones en nuestra población, lográndose además validar el uso de la base de datos de la Universidad de Stanford, puesto que los resultados obtenidos con Trugene™ son similares.